

```

NNGGNTNAATTTCCCAAANANTGGTTTTTAAAAAATTTNAAAAAAAAAATTTTTNNTTTTTTTTTTAAAAAATTTGGGNTTCCCTTTAAAGGGGGGGGNGGGGNNAAATTTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGG
GNNNAACAGGNNNTAAATTAATTTATTTTAAAGGNAATTGGNAAGGGGNGCNAANGNTTAAAAAGGGAGGCCAATCCTTTNAATTTTTTTTNNNAAGAAATTAGNATTTNTCATTCAATTTTTAAAAA
TTAATATTAATNGGAAATNTAAAAATAGGGNGGGNGGATTTCCCAAANANTTTTTNNGAAATGGACAAAGGTAAAGACATTTTTATTTAATTTTTAATTA#ATAAAGGGGATTTAAATAAAAA
AAAAATATATAAACGGTTGGTTAGAATTTGGAATTTTAAAATTTTGGGAATCCCATTAAATTTGCGCCTTTTTATTTTTTTTTNGNANTTTATTTTTTTTCAATTTTTTTAATTANTTATTTTTTTTTTATTT
TTTTANTTTTTATTTTTTTTCTCATTTTTAAATCCANACANATACATTCATTTTATTTAAATAAAAAAATAAAAAAACCNGATTTTAAATTTGTATATATATAAAAAATAATAAAAAA
AATAAAAAAATGTCAATTAATCGTGGATGTTTAACATATATTATTAATGGTGGACCAAACTAAACGTTTTCAAATATTGATTGTAGAGTTCAAGTTATAAAAACAAAAACATCTTCAAGTAATAATTTAGAAATTCATT
M V D Q T K R F Q N I D C R V Q V I K T K Q S S S N N L E I H
TATCAGATCAAGATCATATTTTTGTTGGTATTTCAAAGACTGATCCATCAAATATTCCAATCAATTCATTTGTTAACTTAAGTGATTCTCTATAAACTTTCCAAAAGATTCTTAATATCGTTCAATTCATTTATC
L S D Q D H I F V G I S K T D P S N I P I N S I V N L S D F S I N F P K R F L N I V Q F N V I
TCTCAAGAAAAAGAAATTTAAACCGCACAAAGGTAAGCTTTAAACATATCACTCAGTATATAAAAAACAGATGGCAATAGTCAAACAGTAATCAACCACAACCACAACAACAACAACATCAACAACAACAACAACC
S Q E K E I K T A Q G K A L T Y H S V Y K K T G N S Q N S N Q P Q P Q Q Q Q Q H Q Q Q Q Q P
AAGAGCAATACAACAATGGGCTCAAATAGTGGAAATGCATCAAGAGGTAACTCTTTAGCAAATCAAAGAAATCAAGCAGGTGCAATTAGATCAAATAATAATTTGGTGGTAAATAGTAATAATAATAATAACAAT
R A N T T M G S N S G I A S R G N P L A N Q R N Q A G A I R S N N N F G G N S N N N N N
ATAATAACAACAATAATAATAATAATAATAAGTGGTGGTGGTTCAAATAATTTTTATGCAGATTTATCAACACAACCAATTACAGATATTGAAAGTATAGCACCTGGTATGAATGTTCAATTTACAATCAGAGCAATG
Y N N N N N N N N N S G G G S N N F Y A D L S T Q P I T D I E S I A P G M N V Q F T I R A M
GTTAGAAATAAACCAACCTTTAAAGTTGGAATAAGGGAGCCAAATGGTGAAGGTAACCTTTTTAGTATGGAATTGGTAGATAGTACTGGTGAATTAATGTGCTTGTTTCTGATAGTTCAAATCCAAACAACCTTTAT
V R N K Q P L K S W N K G A N G E G K L F S M E L V D S T G E I K C A C F S D S S N P N N F I
CAATGCACCTATGATTGCTTTGAAATGGTAAAGTCTATTTCATTAAGGATTCCTTTGTTAAAGTGAACAAATATAACAATACACTCTCAGTAACTGCAACTCAGTATCAACTCTGAATCAAGAGTAATGATT
N A L Y D C F E N G K V Y F I Q R F F V K S A N K L Y N T L S H Q S E L S I N S E S R V M I
CCCCAGACCAAAACCAATTCACCCACATTATAATTTCAAAAAGATTGCTGATATTGAAAATCGGAAAAGAAGCACACTGTCGATGTTATTTGGTGCCATTACAACATTTGATCCAATCGCCAATCTCACTAGCAAACAA
S P D A Q T Q F T P H Y N F K K I A D I E N L E K N D T V D V I G A I T N I D P I A N L T S K Q
GGTAAAGAAATCCCAAATTTGGTATCACCATCGCCGAGACCAACCAATGCCAGTATCAATGTAGTTTTGGAAATGNAAGGCCATGNAGTTGCACCTCAAGTAAAGGTTGGTGNATCATTCGAATGAAGGGGTAAAGT
G K E F P N L V S P S P R H Q C Q Y Q C S F L E ? K S H ? S C T S S K G W ? Y H C N E A G V K V
TTCCGATTTCTNTGGTAGAACACTCTNTTATAGTTTTGGTTTCATCCTTTGGATTGAATGATGAACAACCTTCAAGAAACCAGTAATTTTNGTGCACATTNACAAAACCTTTGATGTCAATNTTTTTCAATCANTTACCATTG
S D F ? G R T L ? Y S F G S S F G L N D E Q L G S P L F I S G P K T N K K L Y ? T I G Q F Q
CAAGTCCACACCCAAAGTCCATGAACAAGTAAATNTTCCAATCTTTTTAATCAGAACCATCTCTGAAGGTTCAACACTNTTCATTTCAAGTCCAAAAACAATAAAAACTNTATNGTACAATCGGTCAATTCCAA
A S S Y T Q S S Y E Q V N ? P I F L I R T I S E Q E T S N F ? A H ? Q N F D V N ? F Q S ? T I
CGTGTGCTTCCTTAAGTCAAGCTGGAGAGATGGACAAAAGGTGATGAAATCTCTCCAAAATGGAAATATAAAGCGTGCAAAAAATGTAAAAAATCTTGTCCAGAAGGTAAGTTGCCACAATGGTTCAGATGA
R V V P L S Q A G E M D K G D E I S S K M E W K Y K A C K K C K K S C P E G S C P Q C G S D D
TTGGGAATATGCCNATNGTATGAGTTTGAATATCCGATGGTATGATGCAATCAGTGTGAGGTAATGGGTAACCTGGTGTANATTTTGGTAAAAGCGCTGCAGAATTATATCAAATGAATCAAGAACAATCA
W E Y A ? ? M S L K L S D G D D A I S V E V M G K T G D ? L F G K S A A E L Y Q M N Q E Q I
ATGAAATCTTAACTGTACTTAGTAACAATTATGTTGTTTCACTTGCCCCAAGCTCTTATATGGGTAGCAATGGTCAAACCTTACAACAGATTCATGTCTATGATTTTGCAATCTCTATGATACACCAACAAACTA
N E I F N T V L S N N Y V V S L A P S S Y M G S N G Q T Y N R F N V Y D F A N L Y D T P N K L
GTTTCTGGTCCAAACCAATGCTCCAAATCAATTCCAATAATTATTTGAAGTAGTTTTAATGATTGTAGATTATTTAATGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
V S G P N Q M L Q I N S K I I L K V V L M .....
TTTTTTTTTTTTAATTAATTTATTTATATAAAATCAACTTTCAAATATTCTAATTTCTAATTAATTTTAGTTTTATTTTTTAAATTTGATAAATATATATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
.....
TTTTTTTTTTTTTTTTTTGNAAAAAATCATTTAACCCCTCCCCCATNAAAATTTTAATTTAATTTTAAAAATGCCCNTATGCTCCCAAATTTACCTTTACCTTTTTGAATTTCTTTTCAACTCCAATNAAAATTTT
.....S F N P S P H ? I F N L I L K C P ? C S Q N F T F T F L N F L S N S N ? N F
TCCTTCCATTNATTGTANAGCTCCATGGGCTACAGTTTACGGGATGGACCTANCAAGGATGGTGAAGGTTGTTGTTTGCACCACCTCTTTTATTGCTGGTTCAATAAATGNGGTGGTTAAAAAATTTAAAAA
S F H ? L ? S S M G Y S L R D W T ? Q G W .
AGGGGTTGGTGCAGAATTTGGTGCAGGAATGGTGCTGAATTTGGGGCTAAAAATCCCTTTGGGTTAAAAGGCCGCGCCTTCTTTGGGCCCTTGGGCAGAACTTCGGCCATTAATCCCCCCCCCCCCCCCCCTAAATTTG
GAAGTGGTGGTGGTTTAAACCCCTGAAGAAGGCTTATCCACATTGGCGGGCACTAAAAATGCCAAAANGTNNTTTTTTTTTGGGTACNCCCTTTTAAACACNGTACNGTTTTTTTTTAAATTTCCCCCTTGAAAAAT
TTCAATTGNAACCNANNGGGGTTTTNTCCATTACCCCCCTTNGGGTNGGTTTTTGGGNAACNNGGGGGGGTGGGNGGNAACCTTTTTTTTTGGGAAACNNGGGGGGCTTGGGAAACCGGACCTTTTNAACC
CCCCNGTTTTTTTTTTGGTNNANAGGCTTTTTTTTNCNCGTTANNAAAAAGGGGAAAGGGG

```

Figure 44. Complete sequence information of DdRPA1. The transcription state site was marked with “#”. The intron was marked with “*”. The translation start site (ATG) and stop site (TGA) was underlined.

[Previous figure] [Next figure]