-856 CTCAATCAAGAAACTATTAAAAAATTGGAACAATTATTAATTAAATTTGAAAAAATCATT -797
-796 TAATTTCAAAATCTTTTAAAGATTTTAGAGGTTATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA -737
-736 TCCAAAAAAAAAATCCATAAAGTCCAAAATCAAATAATTTAAATTTAAATTATTTTTAAA -677
>1-11 >1-9
-676 TTAAAAACTAATCAAAAAATAAAAAAAATAATAAAAATAATAAATAAACAAATAAAAATA -617
TA BOX 1
-616 TTAAAAATTAATTATAATAAAGAACAAATAAATTATTGATTGTGTTTTTAAAAATAATAA -557
>11 >22 TA BOX 2 AND 3
-556 TAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAATTAAAAAAATAATTATAATAATTATA -497
>10 >32
-496 ATAATAAAAATAATAGTAATAATAATGAAAATAATTAAAAATGGATAAACTAAAAATGGA -437
TAG BOX 1 (5') >23 TAG BOX 2 (3')_

-436 ATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTAATTTTTTTTAATAATGTAGTTTACAATGTATT -377
>29 >27

-376 ATTCTACCCACTATTGTTGGAAAAAAAAAACAGTGCAAACTCACCCACTCACAATTTTTT - 317
C BOX 1(5') C BOX 2 (3')
*
-316 AAACACAAATAAAAAAATTTTAGTGGTATCTGTGAAAAAATAGCTCCATACAAAAAACAA -257
>2-7
-256 ATTTTATCAAACACCACCAAATATATTATTTTTATTTAAATTAATTTACTTTTTTTTTTT -197
>2A
-196 TATTAATATTATATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATATTTTGGTTTTTTTCATTATT -137
-136 TATTATATTATTATTTTTTTCATCAATAAATTAATATTTCTTTGTATTTCTTTTTATATT -77
-76 ATTCATTAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAACAAAATAAAAAAAAAAATAAAATAATAA -17
M E E K T S
-16 AACAAATTAAAAAAAAATGGAAGAAAAAAGAAGT 17

Figure 1.3. The sequence of *gp-2* promoter. TA, TAG and C boxes are shown. Numbers correspond to deletion analysis places. translational start site.